

Сведения

о ведущей организации по диссертации Переверзева Антона Петровича
 «Методы анализа процессинга и деградации мРНК с помощью флуоресцентных белков»,
 представленной на соискание ученой степени
 кандидата биологических наук по специальности 03.01.03 – «молекулярная биология»

<p>Полное и сокращенное наименование ведущей организации</p>	<p>Почтовый адрес, телефон, адрес электронной почты, адрес официального сайта в сети Интернет</p>	<p>Список основных публикаций сотрудников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за последние 5 лет (не более 15 публикаций)</p>
<p>Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт молекулярной биологии им. В.А.Энгельгардта Российской академии наук (ИМБ РАН)</p>	<p>ГСП-1, 119991, г. Москва, ул. Вавилова, д. 32. ИМБ РАН Телефон: 8(499)135-23-11, 8(499)135-11-60 Факс: 8 (499) 135-14-05 e-mail: isinfo@eimb.ru официальный сайт: www.eimb.ru</p>	<p>1. Susorov D, Mikhailova T, Ivanov A, Sokolova E, Alkalaeva E. Stabilization of eukaryotic ribosomal termination complexes by deacylated tRNA. Nucleic Acids Res. 2015 Mar 31;43(6):3332-43. 2. Putlyaeva LV, Schwartz AM, Korneev KV, Covic M, Uroshlev LA, Makeev VY, Dmitriev SE, Kuprash DV. Upstream open reading frames regulate translation of the long isoform of SLAMF1 mRNA that encodes costimulatory receptor CD150. Biochemistry (Mosc). 2014 Dec; 79(12):1405-11. 3. Ivanova E, Berger A, Scherrer A, Alkalaeva E, Strub K. Alu RNA regulates the cellular pool of active ribosomes by targeted delivery of SRP9/14 to 40S subunits. Nucleic Acids Res. 2015 Mar 11;43(5):2874-87. 4. Kravatsky YV, Chechetkin VR, Tchurikov NA, Kravatskaya GI. Genome-wide study of correlations between genomic features and their relationship with the regulation of gene expression. DNA Res. 2015 Feb;22(1):109-19. 5. Koval AP, Gogolevskaya IK, Tatosyan KA, Kramerov DA. A 5'-3' terminal stem in small non-coding RNAs extends their lifetime. Gene. 2015 Jan 25;555(2):464-8. 6. Feng T, Yamamoto A, Wilkins SE, Sokolova E, Yates LA, Münzel M, Singh P, Hopkinson RJ, Fischer R, Cockman ME, Shelley J, Trudgian DC, Schödel J, McCullagh JS, Ge W, Kessler BM, Gilbert RJ, Frolova LY, Alkalaeva E, Ratcliffe PJ, Schofield CJ, Coleman ML. Optimal translational termination requires C4 lysyl hydroxylation of eRF1. Mol Cell. 2014 Feb 20;53(4):645-54. 7. Kryuchkova P, Grishin A, Eliseev B, Karyagina A, Frolova L,</p>

		<p>Alkalaeva E. Two-step model of stop codon recognition by eukaryotic release factor eRF1. Nucleic Acids Res. 2013 Apr;41(8):4573-86.</p> <p>8. Kuchmiy AA, Efimov GA, Nedospasov SA. Methods for in vivo molecular imaging. Biochemistry (Mosc). 2012 Dec;77(12):1339-53.</p> <p>9. Koval AP, Gogolevskaya IK, Tatosyan KA, Kramerov DA. Complementarity of end regions increases the lifetime of small RNAs in mammalian cells. PLoS One. 2012;7(9):e44157.</p> <p>10. Makarova JA, Kramerov DA. SNOntology: Myriads of novel snoRNAs or just a mirage? BMC Genomics. 2011 Nov 3;12:543.</p> <p>11. Kramerov DA, Vassetzky NS. SINEs. Wiley Interdiscip Rev RNA. 2011 Nov-Dec;2(6):772-86.</p> <p>12. Koval AP, Veniaminova NA, Kramerov DA. Additional box B of RNA polymerase III promoter in SINE B1 can be functional. Gene. 2011 Nov 10;487(2):113-7.</p> <p>13. Kramerov DA, Vassetzky NS. Origin and evolution of SINEs in eukaryotic genomes. Heredity (Edinb). 2011 Dec;107(6):487-95.</p> <p>14. Gogolevskaya IK, Veniaminova NA, Kramerov DA. Nucleotide sequences of B1 SINE and 4.5S(I) RNA support a close relationship of zokors to blind mole rats (Spalacinae) and bamboo rats (Rhizomyinae). Gene. 2010 Jul 15;460(1-2):30-8.</p>
--	--	--

Ученый секретарь Федерального государственного
бюджетного учреждения науки
Института молекулярной биологии
им. В.А.Энгельгардта Российской академии наук,
к.х.н.

Крицын А.М.