

Сведения о ведущей организации

по диссертации Григорова Артема Сергеевича
«Роль малых регуляторных РНК микобактерий в адаптации к стрессам»,
представленной на соискание ученой степени
кандидата биологических наук по специальности 1.5.3 – Молекулярная биология

Полное наименование организации:	Федеральное государственное бюджетное учреждение «Федеральный научно-клинический центр физико-химической медицины имени академика Ю.М. Лопухина Федерального медико-биологического агентства»
Сокращенное наименование организации:	ФГБУ ФНКЦ ФХМ им. Ю.М. Лопухина ФМБА России
Место нахождения:	г. Москва, 119435, ул. М. Пироговская 1а
Почтовый адрес с индексом:	г. Москва, 119435, ул. М. Пироговская 1а
Телефон:	8(499)246-77-21
e-mail:	info@rcpcm.org , director@rcpcm.org
Фамилия, имя, отчество, ученая степень, ученое звание, должность руководителя ведущей организации:	Лагарькова Мария Андреевна, член-корреспондент РАН, доктор биологических наук, генеральный директор
Адрес официального сайта в сети «Интернет» (при наличии):	www.rcpcm.org
Лаборатории, Кафедры или другие научные подразделения, деятельность которых связана с научным направлением диссертации:	Отдел биомедицины и геномики: лаборатория геномных исследований и вычислительной биологии, лаборатория молекулярной генетики человека, лаборатория молекулярной генетики микроорганизмов, лаборатория прикладных биомедицинских микросистем

Список основных публикаций работников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых изданиях за последние 5 лет:

1. Insight into pathogenomics and phylogeography of hypervirulent and highly-lethal *Mycobacterium tuberculosis* strain cluster. Mokrousov I, Vyazovaya A, Shitikov E, Badleeva M, Belopolskaya O, Bespiatykh D, Gerasimova A, Ioannidis P, Jiao W, Khromova P, Masharsky A, Naizabayeva D, Papaventsis D, Pasechnik O, Perdigão J, Rastogi N, Shen A, Sinkov V, Skiba Y, Solovieva N, Tafaj S, Valcheva V, Kostyukova I, Zhdanova S, Zhuravlev V, Ogarkov O. BMC Infect Dis. 2023 Jun 23;23(1):426. doi: 10.1186/s12879-023-08413-7. PMID: 37353765
2. A revised SNP-based barcoding scheme for typing *Mycobacterium tuberculosis* complex isolates. Shitikov E, Bespiatykh D. mSphere. 2023 Aug 24;8(4):e0016923. doi: 10.1128/msphere.00169-23. Epub 2023 Jun 14. PMID: 37314207
3. Transcontinental spread and evolution of *Mycobacterium tuberculosis* W148 European/Russian clade toward extensively drug resistant tuberculosis. Merker M,

- Rasigade JP, Barbier M, Cox H, Feuerriegel S, Kohl TA, Shitikov E, Klaos K, Gaudin C, Antoine R, Diel R, Borrell S, Gagneux S, Nikolayevskyy V, Andres S, Crudu V, Supply P, Niemann S, Wirth T. *Nat Commun.* 2022 Aug 30;13(1):5105. doi: 10.1038/s41467-022-32455-1. PMID: 36042200
4. Genome-Wide Transcriptional Response of *Mycobacterium smegmatis* MC2155 to G-Quadruplex Ligands BRACO-19 and TMPyP4. Shitikov E, Bespiatykh D, Malakhova M, Bespyatykh J, Bodoev I, Vedekhina T, Zaychikova M, Veselovsky V, Klimina K, Ilina E, Varizhuk A. *Front Microbiol.* 2022 Mar 4;13:817024. doi: 10.3389/fmicb.2022.817024. eCollection 2022. PMID: 35308348
 5. MDR and Pre-XDR Clinical *Mycobacterium tuberculosis* Beijing Strains: Assessment of Virulence and Host Cytokine Response in Mice Infectious Model. Fursov MV, Shitikov EA, Lagutkin DA, Fursova AD, Ganina EA, Kombarova TI, Grishenko NS, Rudnitskaya TI, Bespiatykh DA, Kolupaeva NV, Firstova VV, Domotenko LV, Panova AE, Vinokurov AS, Gushchin VA, Tkachuk AP, Vasilyeva IA, Potapov VD, Dyatlov IA. *Microorganisms.* 2021 Aug 23;9(8):1792. doi: 10.3390/microorganisms9081792. PMID: 34442871
 6. Transcriptomic Profile of *Mycobacterium smegmatis* in Response to an Imidazo[1,2-b][1,2,4,5]tetrazine Reveals Its Possible Impact on Iron Metabolism. Vatlin AA, Shitikov EA, Shahbaaz M, Bespiatykh DA, Klimina KM, Christoffels A, Danilenko VN, Maslov DA. *Front Microbiol.* 2021 Aug 4;12:724042. doi: 10.3389/fmicb.2021.724042. eCollection 2021. PMID: 34421882
 7. A Comprehensive Map of *Mycobacterium tuberculosis* Complex Regions of Difference. Bespiatykh D, Bespyatykh J, Mokrousov I, Shitikov E. *mSphere.* 2021 Aug 25;6(4):e0053521. doi: 10.1128/mSphere.00535-21. Epub 2021 Jul 21. PMID: 34287002
 8. Proteogenomic Approach for *Mycobacterium tuberculosis* Investigation. Bespyatykh J, Arapidi G, Shitikov E. *Methods Mol Biol.* 2021;2259:191-201. doi: 10.1007/978-1-0716-1178-4_12. PMID: 33687716
 9. Aureolic Acid Group of Agents as Potential Antituberculosis Drugs. Bespyatykh J, Bespiatykh D, Malakhova M, Klimina K, Bespyatykh A, Varizhuk A, Tevyashova A, Nikolenko T, Pozmogova G, Ilina E, Shitikov E. *Antibiotics (Basel).* 2020 Oct 19;9(10):715. doi: 10.3390/antibiotics9100715. PMID: 33086595
 10. Probable long-term prevalence for a predominant *Mycobacterium tuberculosis* clone of a Beijing genotype in Colon, Panama. Acosta F, Norman A, Sambrano D, Batista V, Mokrousov I, Shitikov E, Jurado J, Mayrena M, Luque O, Garay M, Solís L, Muñoz P, Folkvarsdén DB, Lillebaek T, Pérez-Lago L, Goodridge A, García de Viedma D. *Transbound Emerg Dis.* 2021 Jul;68(4):2229-2238. doi: 10.1111/tbed.13875. Epub 2020 Oct 28. PMID: 33048439
 11. Genotyping, Assessment of Virulence and Antibacterial Resistance of the Rostov Strain of *Mycobacterium tuberculosis* Attributed to the Central Asia Outbreak Clade. Fursov MV, Shitikov EA, Bespyatykh JA, Bogun AG, Kislichkina AA, Kombarova TI, Rudnitskaya TI, Grishenko NS, Ganina EA, Domotenko LV, Fursova NK, Potapov VD, Dyatlov IA. *Pathogens.* 2020 Apr 30;9(5):335. doi: 10.3390/pathogens9050335. PMID: 32365818
 12. Metabolic Changes of *Mycobacterium tuberculosis* during the Anti-Tuberculosis Therapy. Bespyatykh J, Shitikov E, Bespiatykh D, Guliaev A, Klimina K, Veselovsky V, Arapidi G, Dogonadze M, Zhuravlev V, Ilina E, Govorun V. *Pathogens.* 2020 Feb 18;9(2):131. doi: 10.3390/pathogens9020131. PMID: 32085490

13. System OMICs analysis of Mycobacterium tuberculosis Beijing B0/W148 cluster. Bespyatykh J, Shitikov E, Guliaev A, Smolyakov A, Klimina K, Veselovsky V, Malakhova M, Arapidi G, Dogonadze M, Manicheva O, Bespiatykh D, Mokrousov I, Zhuravlev V, Ilina E, Govorun V. Sci Rep. 2019 Dec 17;9(1):19255. doi: 10.1038/s41598-019-55896-z. PMID: 31848428
14. The role of IS6110 in micro- and macroevolution of Mycobacterium tuberculosis lineage 2. Shitikov E, Guliaev A, Bespyatykh J, Malakhova M, Kolchenko S, Smirnov G, Merker M, Niemann S, Mokrousov I, Ilina E, Govorun V. Mol Phylogenet Evol. 2019 Oct;139:106559. doi: 10.1016/j.ympev.2019.106559. Epub 2019 Jul 11. PMID: 31302224
15. Simple Assay for Detection of the Central Asia Outbreak Clade of the Mycobacterium tuberculosis Beijing Genotype. Shitikov E, Vyazovaya A, Malakhova M, Guliaev A, Bespyatykh J, Proshina E, Pasechnik O, Mokrousov I. J Clin Microbiol. 2019 Jun 25;57(7):e00215-19. doi: 10.1128/JCM.00215-19. Print 2019 Jul. PMID: 31043465

Даю согласие на размещение персональных данных на официальном сайте Государственного Научного Центра Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт биоорганической химии им. академиков М.М. Шемякина и Ю.А. Овчинникова Российской академии науки в единой информационной системе, включение персональных данных в аттестационное дело и их дальнейшую обработку.

Ведущая организация подтверждает, что соискатель и его научный руководитель (консультант) не являются ее сотрудниками, а также в ведущей организации не ведутся научно-исследовательские работы, по которым соискатель ученой степени является руководителем или работником организации-заказчика или исполнителем (соисполнителем).

Ученый секретарь ФГБУ ФНКЦ
ФХМ им. Ю.М. Лопухина
ФМБА России, к.б.н.



Лихнова О.П.