

**ФМБА РОССИИ**

Федеральное  
государственное бюджетное учреждение  
«Федеральный научно-клинический центр  
физико-химической медицины  
имени академика Ю.М. Лопухина  
Федерального медико-биологического  
агентства»  
**(ФГБУ ФНКЦ ФХМ им. Ю.М. Лопухина  
ФМБА России)**

119435, Москва, ул. Малая Пироговская, д.1А  
Тел. (499) 246-77-21 Факс (499) 246-44-09  
<http://www.repcm.org>, e-mail: [niifhm@fmbamail.ru](mailto:niifhm@fmbamail.ru)

18.10.2023 № 1623

На № \_\_\_\_\_ от \_\_\_\_\_

**УТВЕРЖДАЮ**

Генеральный директор  
ФГБУ ФНКЦ ФХМ  
им. Ю.М. Лопухина  
ФМБА России  
д.б.н., член-корр. РАН

М. А. Лагарькова

«18» октября 2023 г.



## **ОТЗЫВ ВЕДУЩЕЙ ОРГАНИЗАЦИИ**

Федерального государственного бюджетного учреждения «Федеральный научно-клинический центр физико-химической медицины имени академика Ю.М. Лопухина Федерального медико-биологического агентства»  
**(ФГБУ ФНКЦ ФХМ им. Ю.М. Лопухина ФМБА России)**

на диссертационную работу **Григорова Артема Сергеевича «РОЛЬ МАЛЫХ РЕГУЛЯТОРНЫХ РНК МИКОБАКТЕРИЙ В АДАПТАЦИИ К СТРЕССАМ»**, представленную на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.3 – Молекулярная биология

### **Актуальность темы исследования**

Диссертационная работа Григорова А.С. посвящена исследованию роли малых некодирующих РНК (нкРНК) микобактерий. нкРНК играют ключевую роль в сложных процессах регуляции экспрессии бактериального генома. Для патогенных микобактерий, в частности, для *M. tuberculosis* показано участие нкРНК в адаптации к внутриклеточным стрессам. Изучение регуляторных РНК свободноживущих микобактерий важно для определения их экологической роли и понимания механизмов взаимодействия с другими микроорганизмами. В свою очередь объединение знаний может обеспечить более целостный взгляд на микобактериальную биологию и эволюцию, что повлияет и на поиск более оптимальных терапевтических стратегий. Таким образом, актуальность работы Артема Сергеевича не вызывает сомнений.

Раздел «обзор литературы» дает представление о нкРНК бактерий в целом. Отдельное внимание уделено рассмотрению нкРНК микобактерий и частным примерам.

Раздел «материалы и методы» содержит подробное и достаточное для воспроизведения описание используемых методов.

Раздел «результаты и обсуждение» представляется структурированным и законченным. Сначала автор приводит результаты влияния холодового стресса на *M. smegmatis*. Артем Сергеевич описывает обнаружение 43 цис-кодируемых и 13 транс-кодируемых регуляторных РНК *M. smegmatis*, которые могут принимать участие в адаптации стрессу; а также динамику адаптации транскриптома к низким температурам. В дальнейшем приводятся результаты исследования роли регуляторной РНК F6 у *M. smegmatis*. Автором, с использование генно-инженерных конструкций, убедительно доказывается, что F6 принимает участие в адаптации к окислительному стрессу, а также в регуляции перехода в покоящееся состояние. В дальнейшем Артем Сергеевич демонстрирует роль MTS1338 *M. tuberculosis* в контексте адаптации к различным стрессам. В частности, демонстрируется роль MTS1338 в повышении выживания *M. tuberculosis* в условиях кислотного, нитрозативного и окислительного стрессов.

### **Замечания по содержанию диссертации**

Принципиальные замечания к работе отсутствуют.

Тем не менее есть ряд дополнений, которые сделали бы работу более понятной для читающего:

- 1) Обзор литературы начинается с описания подходов по поиску нкРНК, однако само определение малых РНК и описание механизмов их действия дается в главах ниже. Наверно, более понятным было бы описание непосредственных объектов исследования перед методами их поиска.
- 2) Во введении обзора литературы также недостаёт общего описания микобактерий с указанием на интересующие автора объекты: *M. tuberculosis* – как этиологического агента туберкулеза, *M. smegmatis* – как модельного микроорганизма.
- 3) Для описываемых нкРНК не хватает информации о локализации в геноме (позиции на референсных геномах).
- 4) Автором приводится информация о времени адаптации *M. smegmatis* к холодовому стрессу, однако результаты не сравниваются с кривыми роста бактерии без стресса, что было бы более наглядно.

## **Научная новизна исследования**

В работе Григорова А.С. впервые подробно проанализирован транскриптомный профиль *M. smegmatis* при холодовом стрессе: определены гены, участвующие в адаптации бактерии к низким температурам, расширена аннотация регуляторных РНК. Также впервые охарактеризован фенотип и транскрипт штамма *M. smegmatis* с делецией гена малой РНК F6: показано участие F6 в регуляции ответа на окислительный стресс и переход бактерии в состояние покоя. Для микобактерий туберкулеза определена последовательность молекулярных событий, приводящих к транскрипции регуляторной РНК MTS1338 в условиях заражения *ex vivo*. Также впервые показано, что гиперэкспрессия MTS1338 активирует транскрипцию ряда генов, способствующих выживанию бактерии *in vitro* в условиях, имитирующих макрофагальные стрессы.

## **Обоснованность и достоверность научных результатов и выводов диссертационной работы**

Работа выполнена на высоком экспериментальном уровне с использованием современных методов. Результаты экспериментов описаны подробно и последовательно. Достоверность результатов подтверждается публикациями и выступлениями на престижных отечественных и международных конференциях. Выводы, полученные в результате работы и обоснованные экспериментальными данными, соответствуют цели и задачам. Автореферат отражает основное содержание работы.

## **Научно-практическая значимость работы**

Диссертационная работа несет как теоретическую, так и практическую значимость. Результаты способствуют глубокому пониманию молекулярных механизмов, лежащих в основе жизненных процессов бактерий. На практике, работа открывает перспективы для дальнейшего изучения некодирующих РНК *M. tuberculosis* в области диагностики и терапии туберкулеза.

## **Структура и содержание работы**

Диссертационная работа Григорова А.С. изложена 162 страницах и включает разделы: «Введение», «Обзор литературы», «Материалы и методы», «Результаты и обсуждение», «Заключение», «Выводы» и «Список литературы». Работа содержит 51 рисунок, 1 таблицу и 19 приложений; список литературы включает 189 наименований. По теме диссертации опубликовано 6 статей в рецензируемых журналах. Результаты доложены на 7 российских и международных школах и конференциях.

5) Следующее замечание, возможно, будет являться продолжением работы: интересно было бы увидеть наличие/отсутствие описываемых нкРНК среди всего разнообразия геномов микобактерий.

Данные замечания не уменьшают значимости проделанного исследования и не снижают общего положительного впечатления от данной работы.

### **Заключение**

Диссертационная работа Григорова Артема Сергеевича соответствует критериям (в том числе п. 9), установленным "Положением о присуждении ученых степеней" (в ред. Постановлений Правительства РФ от 21.04.2016 N 335, от 02.08.2016 N 748, от 29.05.2017 N 650, от 28.08.2017 N 1024, от 01.10.2018 N 1168, от 20.03.2021 N 426, от 11.09.2021 N 1539, от 26.09.2022 N 1690, от 26.01.2023 N 101, с изм., внесенными Постановлением Правительства РФ от 26.05.2020 N 751), а сам диссертант, несомненно, заслуживает присвоения искомой степени кандидата биологических наук по специальности 1.5.3 - Молекулярная биология.

Отзыв обсужден и одобрен (утвержден) на межлабораторном семинаре отдела биомедицины и геномики (лаб. геномных исследований и вычислительной биологии, лаб. молекулярной генетики человека, лаб. молекулярной генетики микроорганизмов, лаб. прикладных биомедицинских микросистем) (протокол № 2 от 16 октября 2023 г.).

Кандидат биологических наук по специальности 03.01.04 – биохимия, заведующий лабораторией молекулярной генетики микроорганизмов ФГБУ ФНКЦ ФХМ им. Ю.М. Лопухина ФМБА России

Адрес: Россия, Москва, 119435, Малая Пироговская, д. 1а

Электронная почта: eshitikov@mail.ru

Телефон: +7 (499) 246-7721, +7 (916) 835-2432

Шитиков Егор Александрович

Подпись Шитикова Е.А. удостоверяю. Ученый секретарь ФГБУ ФНКЦ ФХМ им. Ю.М. Лопухина ФМБА России, к.б.н.

Лихнова Ольга Петровна



« 18 » октября 2023 г.